



Press Release



2026年2月17日

報道機関 各位

配信先：宮城県政記者会、文部科学記者会、科学記者会、東北電力記者クラブ、千葉県政記者会、千葉民間放送テレビ記者クラブ、北海道教育記者クラブ、京都大学記者クラブ、兵庫県教育委員会記者クラブ、神戸民放記者クラブ、大阪科学・大学記者クラブ、九州大学記者クラブ、島根県政記者会、宗教記者クラブ、滋賀県教育記者クラブ、鹿児島県内報道機関、木更津記者クラブ

国立大学法人東北大学

千葉県立中央博物館

国立大学法人北海道大学

国立大学法人京都大学

国立大学法人神戸大学

国立大学法人九州大学

国立大学法人島根大学

龍谷大学

国立大学法人鹿児島大学

公益財団法人かずさDNA研究所

大規模環境DNA調査から沿岸魚分布を決める要因を探る

—魚類相を形成する複雑な海流の働きが明らかに—

【発表のポイント】

- 日本全国の沿岸で最大規模となる環境DNA調査^(注1)を実施し、短期間に合計1,220種もの魚類の分布を調べることに成功しました。
- 調査で得られた分布情報を基に、日本の多くの沿岸魚類に共通して影響する要因を調べました。その結果、日本の沿岸魚類の分布に影響する様々な海流の働きが明らかになりました。
- 大規模な環境DNA調査と先端的なデータ解析手法を組み合わせることで、地域の生物多様性に関する理解を深め、将来の生物分布の予測に役立つことが期待されます。

【概要】

近年、人間活動や気候変動による魚類の分布の変化が報告されており、その現状把握や予測には分布に影響する要因を解明することが不可欠です。

東北大学・海洋研究開発機構変動海洋エコシステム高等研究所(WPI-AIMEC)の長田穰准教授及び千葉県立中央博物館・北海道大学・京都大学・神戸大学・九州大学・島根大学・龍谷大学・鹿児島大学・かずさDNA研究所らからなる共同研究グループは、日本全国528地点に及ぶ大規模な環境DNA調査を実施し、沿岸魚1,220種(現在論文で報告されている種の約44%)を検出

しました。さらに、これらの魚類の分布を解析したところ、魚類の輸送・移動の制限・生息環境の提供といった様々な海流の働きが多く魚類の分布に影響していることが明らかになりました。この成果は、日本の沿岸魚類の生物多様性に関する理解を深めるとともに、将来の沿岸魚類の分布変化の予測に役立つことが期待されます。

本研究の成果は、2026年2月16日付で科学総合誌 *Scientific Reports* に掲載されました。

【詳細な説明】

研究の背景

近年、人間の活動によって様々な生物の分布が変化していることが報告されています。生物の分布はなぜ変化しているのでしょうか？この疑問に答えるためには、生物の分布を決める要因（より正確にいえば生物の個体数を増減させる要因）を明らかにする必要があります。しかしながら、広域で多くの生物に影響を与える要因を明らかにすることは非常に困難です。それは、広域に生物の分布を決める要因に対する知識が事前になかったり測定が難しかったりするために、人間にとて「隠されて」いる場合があるためです。

今回の取り組み

まず、研究グループは日本の沿岸魚類の分布を調べるため、日本全国の沿岸528地点に及ぶ大規模な環境DNA調査を実施しました。環境DNA調査は少ない調査労力で多くの種を網羅的に検出できるという特徴があります。今回の調査では夏の3か月という短期間に各地点で採水を行い、全地点で合計1,220種もの沿岸魚種（複合種^(注2)を含む）を検出することに成功しました（図1）。

次に、研究グループはこの環境DNA調査によって得られた生物分布情報のビッグデータを基に、日本の沿岸魚類の分布を決める要因を探ることにしました。一般的に、生物の分布を決める要因をデータから特定する際には、測定した環境変数が生物の分布を上手く説明できるかを統計的に調べます。しかし、測定できなかった環境変数に対してはそもそもそのようなアプローチをとることはできません。そこで、私たちは最先端のデータ解析手法を使って、多くの生物の分布情報から逆に測定できなかった「隠された」環境変数を見つけることにしました。これは、もし測定していない重要な環境変数が多く生物の分布を決めているのであれば、多くの生物の分布に共通した特徴から隠された変数を見つけられるだろう、と考えられるからです。実際、このような隠された変数が存在することを想定して解析すると、沿岸魚類の分布をより上手く説明できるようになります。

このようなデータ解析によって見つけられた、2つの隠された変数を調べた

ところ、日本の沿岸魚類には5つの地理的境界線^(注3)があることが分かりました(図2)。日本の沿岸魚類は境界線(B1~B5)を挟んで地域の生物の組成が変化します。例えば、屋久島近くに引かれる境界線(B1)は以前の研究では大隅線として報告されており、太くて流れの早い黒潮を横断できないために、近縁種が分かれて分布していることが知られています。また、それ以外の境界線(B2~B5)についても黒潮や親潮によって輸送されてきた魚類によって生物組成の変化が生じていると考えられました。総じて、日本周辺に流れる海流は、魚類を輸送したり、移動を妨げたり、生息しやすい環境を与えたり、異なる複数の働きによって日本沿岸の魚類相を形成していることが推察されました。

今後の展開

環境DNA技術は近年急速に発展しており、地域の生物相をモニタリングするツールとして注目されています。例えば、日本国内では環境DNAを利用した生物多様性観測網としてANEMONE(<https://anemone.bio/>)が始動しました。国際的にも「自然を回復軌道に乗せるため、生物多様性の損失を止め、反転させる」ネイチャーポジティブ目標が採択されており、環境DNA技術に基づくモニタリングはますます重要になると考えられます。環境DNA調査と先端的なデータ解析手法を組み合わせることで、地域の生物多様性に関する理解を深め、将来の生物分布の予測に役立てることができます。

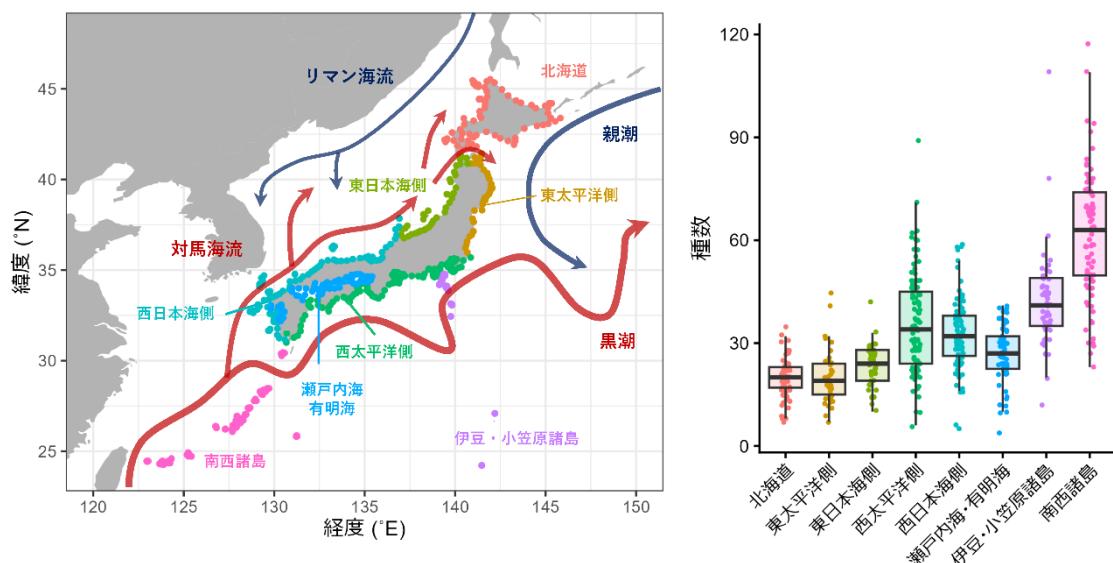


図1. 調査が行われた地点(左図)と各調査地で検出された種数(右図)。多い地点では一度の調査で118種もの魚種を検出しました。右図は箱ひげ図と呼ばれています。箱が四分位点を、中央の太線が中央値を表します。太線の位置によって各地域の種数を直感的に比較することができます。また、箱の大きさに

よって各地域内で種数がどのくらいばらついているかを調べることができます。

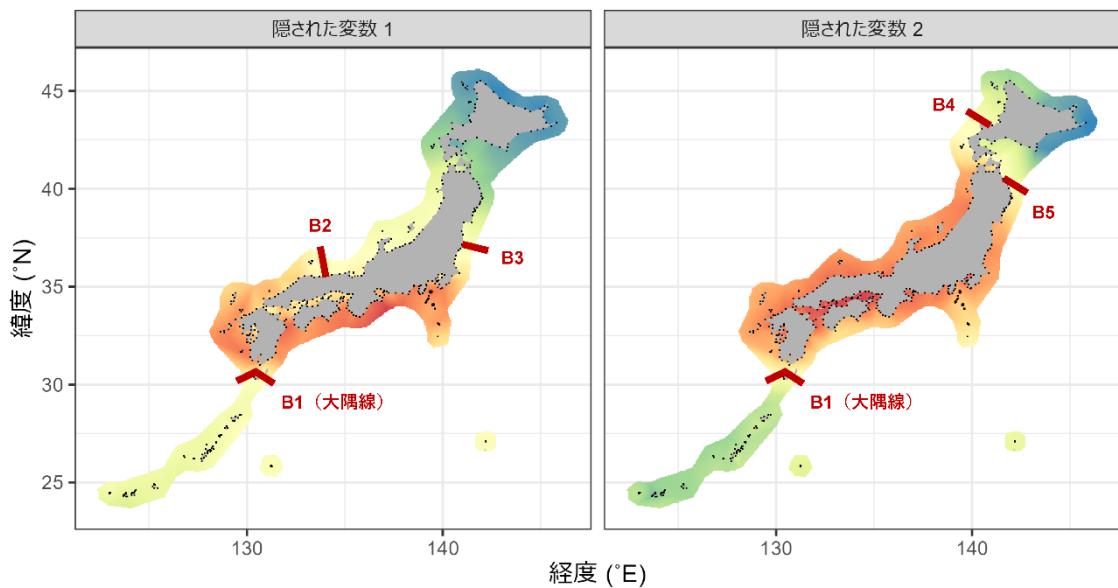


図 2. 環境 DNA 調査から沿岸魚類の分布に影響していると推定された「隠された」変数。左図の変数 1 は主に暖流によって、右図の変数 2 は寒流によって魚類相が変化していると考えられます。赤い太線は生物の組成（生物相）が大きく変化する地理的境界線を表します。

【謝辞】

本研究は、科学技術振興機構（JST）「戦略的創造研究推進事業 CREST プログラム（JPMJCR13A2）」および日本学術振興会（JSPS）「科学研究費助成事業（JP19H05641, JP20H03311, JP21H03651, JP21K15171）」の支援を受けて実施されました。また、本研究は文部科学省による「世界トップレベル研究拠点プログラム」に認定された WPI-AIMEC（末尾注）の活動の一部として行っています。『東北大 2025 年度オープンアクセス推進のための APC 支援事業』の支援を受け、本論文はオープンアクセスとなっています。

【用語説明】

- 注1. 環境 DNA とは、生物から水や土壤、空気といった環境中に放出された DNA のことです。環境中から環境 DNA を集めて分析することで、少ない調査労力で環境中に存在する多くの生物を網羅的に調査することができます。
- 注2. 複合種とは、本研究の文脈では属内の複数の種の集合のことをさします。DNA が類似している近縁の種は、短い環境 DNA から区別できず、複

合種として扱われることがあります。

注3. 地理的境界線とは、生物群集の組成（生物相）が大きく変化する、海洋や陸地に引かれる境界線のことをさします。

【論文情報】

タイトル : Large-scale environmental DNA survey reveals niche axes of a regional coastal fish community

著者 : Yutaka Osada*, Masaki Miya*, Hitoshi Araki, Hideyuki Doi, Akihide Kasai, Reiji Masuda, Toshifumi Minamoto, Satoquo Seino, Teruhiko Takahara, Satoshi Yamamoto, Hiroki Yamanaka, Mitsuhiro Aizu-Hirano, Keiichi Fukaya, Takehiko Fukuchi, Ryo O. Gotoh, Masakazu Hori, Midori Iida, Tomohito Imaizumi, Tadashi Kajita, Takashi Kanbe, Tanaka Kenta, Yumi Kobayashi, Tomohiko Matsuura, Hiroki Mizumoto, Hiroyuki Motomura, Hiroaki Murakami, Kenji Nohara, Shin-ichiro Oka, Tetsuya Sado, Hiroshi Senou, Koichi Shibukawa, Tomoki Sunobe, Hiroshi Takahashi, Koji Takayama, Katsuhiko Tanaka, Hisashi Yamakawa, Satoru Yokoyama, Seokjin Yoon, Michio Kondoh*

*責任著者 :

東北大學・海洋研究開発機構 変動海洋エコシステム高等研究所 (WPI-AIMEC)
准教授 長田穰

元・千葉県立中央博物館 主席研究員 宮正樹（現・早稲田大学ナノ・ライフ
創成研究機構 客員上級研究員）

東北大学生命科学研究科／変動海洋エコシステム高等研究所 (WPI-AIMEC) 教
授 近藤倫生

掲載誌 : Scientific Reports

DOI : 10.1038/s41598-025-31307-4

URL : <https://doi.org/10.1038/s41598-025-31307-4>

【WPI-AIMEC（エイメック）とは】 (<https://wpi-aimec.jp/>)



東北大學と海洋研究開発機構（JAMSTEC）が2024年に共同で設立した「変動
海洋エコシステム高等研究所（WPI-AIMEC）」は、気候変動や人間活動がもたらす

らす環境の変化に対する海洋生態系の反応を解明し、その将来予測を目指す国際的な研究拠点です。

物理学・生態学・数理科学を融合させるアプローチのもと、地域から全地球までの海洋生態系の解析と予測に挑みます。得られた知見をもとに社会と対話し、持続可能な海洋と地球、人間社会の未来へ貢献していきます。

※WPI（世界トップレベル研究拠点プログラム）：

文部科学省による平成 19 年度開始の拠点形成事業で、研究力と国際研究環境を有する「世界から目に見える研究拠点」の形成を目的としています。

【問い合わせ先】

（研究に関すること）

東北大大学・海洋研究開発機構

変動海洋エコシステム高等研究所（WPI-AIMEC）

准教授 長田 穣

TEL: 022-795-6696

Email: yutaka.osada.e5@tohoku.ac.jp

公益財団法人かずさ DNA 研究所

遺伝子構造解析グループ

研究員 山川 央

TEL: 0438-52-3919

Email: yamakawa@kazusa.or.jp

（報道に関すること）

東北大大学・海洋研究開発機構

変動海洋エコシステム高等研究所（WPI-AIMEC）

研究推進企画部

特任准教授 飯田 紹規

TEL: 022-795-5620

Email: aimec-comm@grp.tohoku.ac.jp

千葉県立中央博物館 管理部企画調整課

TEL: 043-265-3111

Email: kouhou_cbm@mz.pref.chiba.lg.jp

北海道大学 社会共創部広報課

TEL: 011-706-2610

Email: jp-press@general.hokudai.ac.jp

京都大学 広報室 国際広報班

TEL: 075-753-5729 FAX : 075-753-2094

Email: comms@mail2.adm.kyoto-u.ac.jp

神戸大学 総務部広報課

TEL: 078-803-5106

Email: ppr-kouhoushitsu@office.kobe-u.ac.jp

九州大学 広報課

TEL: 092-802-2130

Email: koho@jimu.kyushu-u.ac.jp

島根大学 企画部企画広報課 広報グループ

TEL: 0852-32-6603

Email: gad-koho@office.shimane-u.ac.jp

龍谷大学 研究部（生物多様性科学研究センター）

TEL: 077-543-7746

Email: ryukoku.biodiv@gmail.com

URL: <https://biodiversity.ryukoku.ac.jp/>

鹿児島大学 広報センター

TEL: 099-285-7035

Email: sbunsho@kuas.kagoshima-u.ac.jp

公益財団法人かずさ DNA 研究所

広報・教育支援グループ

TEL: 0438-52-3930

Email: kdri-kouhou@kazusa.or.jp